



GENOVESA – cloudový databázový bioinformatický a interpretační systém

Analýza genetických dat NGS může být náročný úkol, který často vyžaduje specializované dovednosti uživatele. Vyvinuli jsme cloudový bioinformatický software – GENOVESA jako snadné řešení pro každého a pro všechna data NGS bez ohledu na použitý kit pro přípravu vzorků.

Klíčové vlastnosti

- Uživatelská přívětivost
- Automatizovaná bioinformatická analýza sekvenačních dat
- Pokročilá kontrola kvality sekvenačních dat
- Snadná filtrace variant
- Lokální databáze variant
- Vizualizace sekvenačních dat
- Interní interpretace variant a sdílení mezi klinikami
- Klinická zpráva



Od FASTQ po klinickou zprávu

GENOVESA umožňuje vyhodnocení dat od malých panelů, přes klinický exom (CES) celoxomová data (WES) až po data z genomového sekvenování (WGS). Zahrnuje širokou škálu anotačních databází a možnost individuálního přizpůsobení. Kontrola kvality dat FASTQ, BAM a VCF. Možnost vlastního výkladu variant a komentáře. Kompletní klinická správa s integrací mezinárodní klasifikace nemocí (ICD) a terminologie HPO.

Sekvenační technologie

GENOVESA umožňuje analýzu konvenčních sekvenačních dat (FASTQ, BAM, VCF) bez ohledu na to jaká sekvenační technologie byla použita – Illumina, MGI, PacBio, Oxford Nanopore Technologies, Genapsys a mnoho dalších.

Databáze a sdílení dat

GENOVESA slouží také jako databáze pro ukládání variant, s možností sdílení dat mezi jednotlivými klinikami.

Zabezpečení

GENOVESA upřednostňuje zabezpečení dat prostřednictvím šifrování HTTPS. Nespolehneme se na poskytovatele třetích stran, jako je Google nebo Amazon, ale vaše data hostujeme v našem zabezpečeném datovém centru v Praze. Neshromažďujeme žádné citlivé údaje pacientů, GENOVESA je plně v souladu s GDPR.

Kontaktujte nás:

Mgr. Iveta Tóthová, PhD.

Product & Scientific manager
tothova@biovendor-mdx.com



Genovesa je společným projektem firem:



BioVendor MDx a.s.

Karásek 1767/1, 621 00 Brno
Czech Republic
info@biovendor-mdx.com
www.biovendor.group